

## شناسایی موتانت‌های برنج متحمل به تنش شوری از طریق ارزیابی بیوشیمیایی، عملکردی و مولکولی (cgSSR)

مرتضی اولادی قادیکلانی<sup>۱</sup>، قربانعلی نعمت زاه قراخیل<sup>۱\*</sup>، غلامعلی رنجبر<sup>۲</sup>، سیدحمیدرضا هاشمی پطودی<sup>۳</sup>  
گروه اصلاح نباتات، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری کشاورزی طبرستان، ایران، گروه  
اصلاح نباتات، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، ایران، گروه مهندسی ژنتیک و بیولوژی، پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری  
کشاورزی طبرستان، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری، ایران  
(تاریخ دریافت: ۱۳۹۹/۰۸/۰۶، تاریخ پذیرش نهایی: ۱۳۹۹/۱۲/۰۵)

### چکیده

جهت شناسایی لاین‌های موتانت نسل نهم برنج متحمل به شوری، ارزیابی برخی صفات بیوشیمیایی مؤثر در شوری (مرحله گیاهچه‌ای) بصورت آزمایش کرت‌های خرد شده فاکتوریل بر پایه طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در گلخانه پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری کشاورزی طبرستان، در سال ۱۳۹۸ صورت گرفت. فاکتور اصلی شامل زمان نمونه‌برداری (سه، شش و نه روز پس از اعمال تنش شوری) و فاکتورهای فرعی شامل تنش شوری کلرید سدیم در سه سطح صفر،  $\text{4dS/m}$  و  $\text{8dS/m}$  (اضافه نمودن نمک به آب مقطر و خاک معمولی شالیزار و تهیه عصاره اشباع شوری) و ژنوتیپ (۱۴ موتانت (M9)، دو شاهد حساس سپیدرود و IR29 و دو شاهد متحمل دیلمانی و Nonabokra) بودند. همچنین شناسایی برخی ژن‌های مؤثر در تنش شوری با استفاده از سه پرایمر ریزوماهواره cgSSR انجام و در ادامه صفات وزن کل دانه در هر بوته و شاخص تحمل بصورت فاکتوریل ارزیابی گردیدند. نتایج تجزیه واریانس نشان داد اثرات اصلی و اثرات متقابل همه تیمارها در سطح احتمال یک درصد معنی‌دار بود. در زمان نمونه‌برداری (۹ روز پس از اعمال تنش) و شوری  $\text{8dS/m}$ ، غلظت پرولین در ژنوتیپ‌های متحمل افزایش و میزان مالون‌دی‌آلدهید کاهش یافت. تجزیه کلاستر (در زمان نه روز پس از تنش و شوری  $\text{8dS/m}$ ) ژنوتیپ‌ها را به پنج گروه تقسیم و چهار ژنوتیپ به همراه شاهد متحمل G17 در گروه پنجم قرار گرفتند. بررسی مولکولی الگوی باندهای پرایمرهای *OsPEX11-1*، *OsNac5* و *OsRacB(T)* به ترتیب تعداد شش، دو و هفت ژنوتیپ را هم‌دیف با ژنوتیپ‌های متحمل نشان داد. چهار ژنوتیپ در شوری  $\text{8dS/m}$ ، وزن کل دانه در هر بوته بیشتری نسبت به دیلمانی داشتند. در نهایت با در نظر گرفتن سازوکارهای بیوشیمیایی مؤثر و نتایج تجزیه کلاستر و با تأکید بر ارزیابی مولکولی و عملکردی می‌توان پیشنهاد نمود ژنوتیپ‌های G1 از موتانت سنگ‌طارم، G2 از موتانت رشتی، G4 از موتانت هاشمی و G9 از موتانت چالوسی در اولویت اول و ژنوتیپ‌های G8 از موتانت هاشمی، G12 و G13 از موتانت نعمت در اولویت دوم به عنوان لاین‌های امیدبخش موتانت متحمل به تنش شوری در مزارعی که با تنش شوری (آب و خاک) مواجه هستند استفاده گردد.

کلمات کلیدی: بیوشیمیایی، تنش شوری، تجزیه کلاستر، موتانت و نشانگر مولکولی.

### مقدمه

می‌اندازد (Wu et al., 2015). حدود ۹۳۲ میلیون هکتار از

شوری امنیت و پایداری تولیدات کشاورزی را به مخاطره زمین‌های سراسر جهان متأثر از شوری و اسیدیته خاک

حدودی به شوری متحمل می‌گردد (Moradi, 2002). Kazemi و همکاران (2016) در ارزیابی موفولوژیکی ۲۷ ژنوتیپ برنج محلی شمال و اصلاحی شمال و مرکزی ایران نسبت به تنش شوری ناشی از کلرید سدیم به صورت آزمایش فاکتوریل در قالب طرح پایه کاملاً تصادفی در دو سطح صفر و ۱۰۰ میلی مولار در سه تکرار بیان نمودند ارقام دیلمانی، ندا و جوزدان بیشترین تحمل و ژنوتیپهای دمسرخ، شیرودی و زایندهرود کمترین تحمل به شوری ناشی از ۱۰۰ میلی مولار کلرید سدیم را نشان دادند. صادقی و همکاران (۱۳۹۷) به منظور ارزیابی واکنش لاین‌های موتانت به تنش شوری در مرحله گیاهچه‌ای، بذور برنج رقم طارم محلی را تحت دو تیمار موتازن شیمیایی اتیل متان سولفونات و تیمار ترکیبی متیل نیتروز اوره همراه با سدیم آزاید قرار دادند و در نهایت دو لاین موتانت برنج به همراه رقم نونا بوکرا در گروه متحمل قرار گرفتند در این تحقیق از رقم IR29 به عنوان شاهد حساس استفاده گردید. در ارزیابی تحمل به شوری ۴۵ رقم بومی ایرانی، ۲۵ رقم اصلاح شده و ۵ رقم خارجی در مرحله گیاهچه‌ای به صورت آزمایش فاکتوریل در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی در سه تکرار در شرایط کنترل شده و تنش شوری (۱/۲، ۴ و ۸ دسی زیمنس بر متر) ارقام خزر، سیپدرو، IR28 و IR29 بسیار حساس به شوری بودند (صبوری و همکاران، ۱۳۸۷). قدیرنژاد شیاده و همکاران (۱۳۹۹) با ارزیابی فیزیولوژیکی و بیوشیمیایی پنج لاین موتانت نسل ششم برنج حاصل از پرتودهی اشعه گاما با دز ۲۵۰ گری تحت تنش شوری کلرید سدیم انجام شد، لاین موتانت نعمت را به عنوان متحمل‌ترین لاین شوری معرفی نمودند.

کاهش عملکرد در شرایط تنش شوری از طریق اختلال در فرآیندهای سلولی و فیزیولوژیک مانند (فتوستتوز، جذب مواد غذایی، جذب آب، رشد ریشه و متابولیسم سلولی) بوجود می‌آید (Pardo, 2010). افزایش فعالیت آنزیم‌های جذب‌کننده انواع اکسیژن فعال یکی از متداول‌ترین مکانیسم‌های تحمل به شوری است (شکرپور و اسفندیاری، ۱۳۹۳). کاهش پتانسیل اسمزی در گیاه تحت تنش شوری نتیجه تجمع برخی از

می‌باشند (Surekha et al., 2008). هم‌اکنون نیمی از اراضی قابل کشت ایران (۹/۵ میلیون هکتار) متاثر از شوری است که اثر عمده‌ای در کاهش سطح زیر کشت و عملکرد محصولات زراعی دارند (Nabiollahi et al., 2017). بر اساس آمار ارائه شده توسط یونسکو، ایران از لحاظ دارا بودن اراضی شور در سطح جهان مقام پنجم را دارد و بین ۲۰۰ تا ۳۰۰ هزار هکتار از اراضی برنج‌کاری گیلان، مازندران و گلستان با شوری تهدید می‌شود (میردار منصوری و همکاران، ۱۳۹۱). تنش‌های محیطی حدود ۷۱ درصد عملکرد گیاهان زراعی را کاهش داده و طبق برآورد کاهش عملکرد در اثر دمای بالا ۱۵ درصد، دمای پایین ۴۰ درصد، تنش خشکی ۱۷ درصد، تنش شوری ۲۰ درصد و ۸ درصد مربوط به سایر تنش‌ها می‌باشد (Ashraf, 2009). غلظت بالای نمک در محلول خاک، باعث افت عملکرد گیاهان زراعی می‌شود (رنجبر و بناکار، ۱۳۸۶؛ Pirasteh-Anosheh et al., 2015). به همین دلیل تولید گیاهان متحمل به شوری یکی از اساسی‌ترین راهکارها برای تأمین غذای بشر به شمار میرود (Kumae et al., 2003). القای جهش بوسیله موتازن‌ها یکی از راه‌های ایجاد تنوع ژنتیکی است. از آنجا که تنوع در سطح گونه‌های گیاهی به دلیل تشدید فعالیت‌های اصلاحی به سطح پایینی رسیده است بنابراین موتاسیون به عنوان فرایند افزایش تنوع ژنتیکی شناخته می‌شود (اولادی و همکاران، ۱۳۹۴). موتاسیون یکی از روش‌های اصلاحی بوده که برای بهبود بسیاری از صفات مهم زراعی، از تحمل به تنش‌های غیر زنده (مانند شوری، سرما، اسیدی...) تا مقاومت به بیماری، کیفیت و بازاریابی به کار می‌رود (Okamura et al., 2012).

پاسخ گیاهان به تنش شوری همواره یکی از موضوعات مهم مطالعات فیزیولوژیکی، بیوشیمیایی، مولکولی، مهندسی ژنتیک و اصلاح نباتات می‌باشد (Kawaura et al., 2008). برنج از جمله غلات مهم و تا حدودی حساس به تنش شوری در مرحله گیاهچه‌ای و اوایل زایشی می‌باشد (Mekawy et al., 2015). این گیاه در مرحله جوانه‌زنی نسبتاً متحمل و گیاهچه‌ای حساس و در مرحله رشد رویشی (پنجه‌زنی) تا

سوپراکسیددسموتاز، کاتالاز) و تجمع پرولین در سلول گیاهی می‌شود. بنابراین، *OsPEX11* می‌تواند در اصلاح ارقام برای بهبود تحمل به تنش شوری در گیاه برنج در نظر گرفته شود. Takasaki و همکاران (۲۰۱۰) بیان کردند که ژن‌های *OsNAC5* و *OsNAC6* به عنوان فعال‌کننده پرموتر ژن *OsLEA3* هستند که افزایش بیان ژن *OsLEA3* باعث تولید پروتئین‌هایی در بخش رویشی گیاه برنج شده و در نهایت باعث تحمل گیاه نسبت به تنش شوری و کم آبی می‌شود. Luo و همکاران (۲۰۰۶) با انتقال ژن *OsRacB* به گیاه برنج و تباکو همراه با ایجاد تیمار تنش شوری دریافتند که بیان این ژن ابتدا در قسمت ریشه و سپس بلافاصله در قسمت ساقه و برگ افزایش یافته و با بررسی دقیق‌تر عملکرد این ژن بیان کردند که سالیسیلیک اسید به عنوان فعال‌کننده این ژن بوده و باعث افزایش بیان این ژن می‌شود در حالی که آبسزیک اسید روی فعالیت این ژن اثری ندارد و در نهایت ژن مذکور به عنوان یکی از فاکتورهای مهم در تحمل به تنش شوری به شمار می‌رود.

در مطالعه‌ای جهت شناسایی لاین‌های موتانت برنج متحمل به شوری با استفاده از جهش اتیل‌متان‌سولفانات (Ethyl methane sulfonate) روی رقم ندا و ارزیابی نسل M2، ۹ لاین متحمل به شوری شناسایی و در ادامه با اعمال شوری در مزرعه با شوری ۷ dS/m کلرید سدیم مورد ارزیابی قرار گرفتند، با توجه به میزان شاخص تحمل به تنش (STI) سه لاین MT196، MT189 و MT41 به ترتیب با ۷۷/۹، ۶۶/۷ و ۶۶/۲ درصد دارای بالاترین سطح تحمل به تنش شوری و از نظر افت عملکرد در شرایط شوری، سه لاین موتانت MT196، MT189 و MT184 به ترتیب با ۴۰/۵، ۴۱/۲ و ۴۲/۴ درصد کمترین میزان افت عملکرد را دارا بوده و به‌عنوان لاین‌های متحمل به شوری شناسایی شدند (احمدی‌خواه و همکاران، ۱۳۹۳).

هدف از این تحقیق شناسایی لاین‌های موتانت متحمل به شوری با ارزیابی برخی صفات بیوشیمیایی در سری زمانی متفاوت در لاین‌های موتانت (M9) برنج تحت تنش شوری

یون‌های محلول (K، Na و Cl) و یا تنظیم‌کننده‌های اسمزی مانند کربوهیدرات‌ها و آمینواسیدهای آزاد (پرولین، گلایسین، بتائین و...) می‌باشد (Khosh-Kholgh Sima et al., 2009; Pessarakli et al., 2009). در ارزیابی بیوشیمیایی که روی سه رقم سنگ‌طارم (متحمل به شوری)، جلودار (نسبتاً حساس به شوری) و IR29 (حساس به شوری) در محیط کشت هیدروپونیک با اعمال تیمار شوری ۱۲۰ میلی‌مولار نمک کلرید سدیم و در شش سری زمانی از بافت‌های برگ و ریشه نمونه‌برداری صورت گرفت، میزان پرولین در ژنوتیپ سنگ‌طارم به‌عنوان یک ژنوتیپ متحمل به شوری در زمان‌های (۷۲، ۱۲۰ و ۱۶۸ ساعت) نسبت به شاهد حساس افزایش معنی‌داری نشان داد (موسوی زاده و همکاران، ۱۳۹۷). تأثیر تنش شوری روی پارامترهای فیزیولوژیکی در ۱۰۶ ژنوتیپ برنج نشان داد پرولین می‌تواند به‌عنوان یک شاخص مناسب جهت شناسایی ارقام حساس از متحمل به شوری به کار گرفته شود (Kanawapee et al., 2012). در تحقیقی افزایش غلظت مالون‌دی‌آلدهید (Malondialdehyde) برگ تحت تأثیر تنش شوری در گیاهچه‌های سه رقم برنج مطالعه شده و نشان داد که میزان کاهش یا افزایش غلظت آن می‌تواند به‌عنوان یک معیار مناسب برای آنالیز واکنش گیاه برنج به تنش شوری به کار گرفته شود (Bhattacharjee and Mukherjee, 2002). Bandoeglu و همکاران (۲۰۰۴) اظهار داشتند تخریب غشاهای سلولی تحت تأثیر تنش شوری و تولید MDA برگ، ناشی از تخریب و تجزیه چربی‌های غشای سلولی می‌باشد (Bandoeglu et al., 2004).

تحمل به شوری از جمله ویژگی‌های ژنتیکی پیچیده است که توسط تعداد زیادی از ژن‌ها کنترل می‌گردد (Parida Das, 2004) and Cui و همکاران (۲۰۱۶) بیان نمودند که، *OsPEX11* ژن حیاتی است که در تنظیم  $Na^+$  و  $K^+$  نقش داشته و با تنظیم میزان بیان انتقال‌دهنده‌های کاتیونی و آنزیم‌های آنتی‌اکسیدانی، نقشی اساسی در تحمل به تنش شوری دارد بدین صورت که بیان ژن مذکور باعث کاهش سطح پراکسیداسیون چربی (با اندازه‌گیری میزان MDA)، کاهش سرعت انتقال  $Na^+$  و  $K^+$  و افزایش بیان آنزیم‌های آنتی‌اکسیدانی (پراکسیداز،

لاین‌های موتانت نسل نهم مورد مطالعه در این تحقیق حاصل از پرتودهی اشعه گاما از چشمه کبالت ۶۰ و دز ۲۰۰ گری روی ارقام بومی برنج (سنگ‌طارم، رشتی، هاشمی، چالوسی و دمسیاه) و اصلاح شده (نعمت و خزر) می‌باشند که توسط نورالهی و همکاران (۱۳۹۷) با ارزیابی مقدماتی ۲۷۵ لاین موتانت (نسل M7) در تیمار شوری ۶dS/m به عنوان لاین‌های نسبتاً متحمل برگزیده شدند.

سنجش میزان مالون‌دی‌آلدهید به روش Heath و Packer (1968) طبق رابطه ۲ انجام شد. ۰/۲ گرم بافت تر برگی در تری‌کلرواستیک اسید 20% (TCA) که حاوی ۰/۵ درصد تیوباربتوریک اسید (TBA) است همگن شده و به مدت ۳۰ دقیقه در حمام آب گرم (۹۵ درجه سانتی‌گراد) در لوله آزمایش ۳۰ ml حرارت دید. سپس مخلوط حاصله بلافاصله در یخ، سرد شده و در سرعت ۱۰۰۰ g به مدت ۱۰ دقیقه سانتریفیوژ گردید. میزان جذب مایع رویی در دو طول موج ۵۳۲ نانومتر و ۶۰۰ نانومتر قرائت گردید. و بر اساس واحد میکرومول بر گرم وزن تر بیان شد.

(رابطه ۲)  $MDA (\mu M. g^{-1} \text{ fresh wt.}) = [(E_{532} - E_{600}) \times 155]$   
 $\times 5$  غلظت مالون‌دی‌آلدهید

اندازه‌گیری پرولین به روش Bates و همکاران (1973) طبق رابطه ۳ انجام شد. ابتدا ۰/۱ گرم بافت تر برگی در ۱۰ میلی‌لیتر سولفوسالیسیلیک اسید سه درصد اضافه نموده و ترکیب حاصله در ۱۵۰۰۰g سانتریفیوژ تا با تشکیل دو فاز مایع و جامد مواد اضافی از محلول جدا گردد. به میزان یک میلی‌لیتر عصاره صاف شده را با دو میلی‌لیتر اسید ناین‌هیدرین به همراه یک میلی‌لیتر اسید استیک گلاسیال مخلوط نموده و در ۱۰۰ درجه سانتی‌گراد به مدت یک ساعت حرارت داده و سپس درون یخ قرار داده شد. مقدار دو میلی‌لیتر تولوئن به محلول اضافه و آن را به مدت ۲۰ ثانیه ورتکس نموده در ادامه از دو فاز تشکیل شده فاز روئی را برداشته و در طول موج ۵۲۰ نانومتر با کمک دستگاه اسپکتروفتومتر قرائت شد در ادامه غلظت پرولین به صورت میکرومول بر گرم وزن تر ارائه شد.

(رابطه ۳)  $(\mu M. g^{-1} \text{ fresh wt.}) = \frac{M \times T \times W}{115.5} \times 1000$  پرولین

کلرید سدیم و شناخت بهتر سازوکارهای تحمل به تنش و همچنین ردیابی برخی ژن‌های موثر در تحمل به تنش از طریق نشانگرهای مولکولی cgSSR و بررسی شاخص تحمل به تنش (Salt-tolerance index) به همراه وزن کل دانه در هر بوته (در مرحله رسیدگی) می‌باشد.

## مواد و روش‌ها

**بررسی‌های بیوشیمیایی:** جهت ارزیابی صفات بیوشیمیایی موثر در تنش شوری نظیر مالون‌دی‌آلدهید، پرولین و درصد نشأت الکترولیت‌ها و شناخت سازوکارهای آن، در سری زمانی متفاوت در لاین‌های موتانت نسل نهم برنج (مرحله گیاهچه‌ای) تحت تنش شوری، یک آزمایش کرت خرد شده فاکتوریل در قالب طرح بلوک‌های کامل تصادفی با سه تکرار در گلخانه پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری کشاورزی طبرستان، سال ۱۳۹۸ اجراء شد. زمان‌های نمونه‌برداری در سه سری زمانی ۳، ۶ و ۹ روز پس از اعمال تنش به‌عنوان فاکتور اصلی و تنش شوری در سه سطح صفر، ۴dS/m و ۸dS/m کلرید سدیم (اضافه نمودن نمک به آب مقطر و خاک معمولی شالیزار - خاک معمولی شالیزار حدود ۱/۲ dS/m می‌باشد - و در ادامه تهیه عصاره اشباع شوری) به همراه ژنوتیپ (۱۴ لاین موتانت (M9) برنج، دو شاهد حساس سپیدرود و IR29 و دو شاهد متحمل دیلمانی و Nonabokra) (جدول ۱) به‌عنوان فاکتورهای فرعی انتخاب شدند. نمونه‌های برگی در سری‌های زمانی پس از اعمال تنش شوری گرفته شد. در این آزمایش از ۱۶۲ گلدان پلاستیکی به عمق ۳۵ و قطر ۴۰ سانتی‌متر استفاده شد که تا عمق ۳۰ سانتی‌متری با خاک معمولی شالیزار، پر شدند. نشاها به تعداد سه بوته بصورت مثلثی به فاصله حدود ۲۵ سانتی‌متر از همدیگر کشت گردیدند. انتقال نشاها به گلدان در مرحله سه برگی و اعمال تنش شوری بصورت آبیاری با آب مقطر بعلاوه نمک به خاک معمولی شالیزار (که برای هر سطح شوری با اندازه‌گیری عصاره اشباع خاک میزان نمک مورد نیاز مشخص شده بود) در مرحله چهارالی پنج برگی و یک هفته پس از استقرار بوته‌ها در گلدان صورت گرفت.

جدول ۱- کد ژنوتیپ و لاین برای ۱۴ لاین موتانت مورد مطالعه به همراه شاهد‌های حساس و متحمل

کد لاین و نام رقم	نسل	کد ژنوتیپ	کد لاین	نسل	کد ژنوتیپ
P۶-۱۳-۲-۱	M9	G10	P۱-۷-۲-۱	M9	G1
P۸-۷-۲-۱-۱۰-۱	M9	G11	P۲-۱-۳-۱	M9	G2
P۱۰-۵-۴-۶-۱	M9	G12	P۳-۴-۵-۱	M9	G3
P۱۰-۵-۴-۶-۱	M9	G13	P۳-۴-۵-۳	M9	G4
P۱۸-۷-۲-۱	M9	G14	P۳-۴-۷-۱	M9	G5
IR29	شاهد حساس خارجی	G15	P۳-۴-۷-۲	M9	G6
Sepidrood (سپیدرود)	شاهد حساس داخلی	G16	P۳-۴-۷-۳	M9	G7
Deilamani (دیلمانی)	شاهد متحمل داخلی	G17	P۳-۲۱-۱-۱	M9	G8
Nonabokra	شاهد متحمل داخلی	G18	P۶-۷-۱-۱	M9	G9

G1-18: ژنوتیپ ۱ الی ۱۸، M9: موتانت نسل نهم، P۱: سنگ طارم، P۲: رشتی، P۳: هاشمی، P۶: چالوسی، P۸: دمسیاه P۱۰:

نعمت، P۱۸: خزر

جدول ۲- نشانگر cgSSR متحمل به تنش شوری در برنج مورد استفاده در این تحقیق (Kutubuddin et al, 2015)

نام ژن	توالی آغازگر	دمای ذوب Tm(°C)	طول قطعه تکثیر شده	مکان کروموزوم
<i>OsNac5</i>	F ATGTGATTAGAGTCGCTTTCAGTTGG	۵۶/۹	۲۳۸	۱۱
	R CCAGCTTGTACTTGTGCCAGCC	۵۸/۴		
<i>OsRacB(T)</i>	F CAAGACCTGCATGCTCATCTCC	۵۶/۱	۲۰۲	۲
	R CCAGATCAAGAACCATAATCCTAGCTC	۵۶/۹		
<i>OsPEX11-1</i>	F GCTGCTCTCGACTTCTTGTTC	۵۶/۲	۲۷۶	۳
	R ACTAGCCCTGCACAGACTGAAGAG	۵۵/۸		

الکتریکی قبل و بعد از اتوکلاو می‌باشد.

(رابطه ۴)  $(EC1 / EC2) \times 100$  = درصد نشت الکترولیت‌ها  
گروه بندی لاین‌های موتانت مورد مطالعه از نظر صفات  
بیوشیمیایی با استفاده از تجزیه کلاستر به روش وارد (Ward)  
از طریق نرم افزار SPSS ver16 انجام شد.

**بررسی‌های مولکولی:** ارزیابی مولکولی جهت شناسایی  
لاین‌های متحمل به شوری با توجه به تحقیق Kutubuddin  
همکاران (۲۰۱۵) تعداد سه پرایمر (Novel salt responsive)  
(candidate gene based SSRs) (cgSSRs) مرتبط با تنش  
شوری با نام‌های *OsNac5*، *OsRacB(T)* و *OsPEX11-1*  
انتخاب و سنتز (Metabion, Germany) گردید (جدول ۲).  
جهت آنالیز مولکولی ابتدا نمونه‌های برگی لاین‌های

M = عدد قرائت‌شده با دستگاه اسپکتروفتومتر، T = حجم  
تولون مورد استفاده (در اینجا ۲ میلی‌لیتر است) و W = وزن  
نمونه برگی مورد استفاده (برای نمونه هادی ما برابر ۰/۱  
است).

درصد نشت الکترولیت‌ها از روش Farooq و  
Azam (2006) بر اساس رابطه ۴ محاسبه شد. ابتدا با پانچ  
نمونه برگ (۱۰ قطعه دیسک برگی) تهیه و داخل فالكون  
۵۰ML گذاشته و درون شیشه ۱۵ سی‌سی آب مقطر ریخته و  
EC محلول بعد از یک شبانه روز اندازه‌گیری سپس نمونه به  
مدت ۲۰ دقیقه در دمای ۱۲۰ درجه سانتی‌گراد اتوکلاو شده و  
پس از رسیدن به دمای ۲۵ درجه دوباره EC محلول  
اندازه‌گیری شد. EC1 و EC2 به ترتیب قابلیت هدایت

حاصل از آزمایش با استفاده از نرم افزار SPSS ver. 16، جهت مقایسات میانگین از آزمون دانکن و جهت رسم نمودارها از نرم افزار اکسل 2013 استفاده گردید.

### نتایج و بحث

بررسی های بیوشیمیائی: نتایج تجزیه واریانس (جدول ۳) نشان داد که اثرات اصلی و اثر متقابل تیمارهای زمان در شوری، زمان در ژنوتیپ، شوری در ژنوتیپ و همچنین زمان در شوری در ژنوتیپ برای صفات مالون دی آلدئید، پرولین و همچنین نشت الکترولیت در سطح احتمال یک درصد معنی دار شدند.

بررسی برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت مالون دی آلدئید سه روز پس از اعمال تنش شوری حاکیست اکثر ژنوتیپها (بجز دو ژنوتیپ G1 و G13) در سطح شوری ۴ dS/m روند افزایشی داشتند و ژنوتیپ G8 دارای بیشترین غلظت (۲۷۴/۸ میکرومول بر گرم) بوده و در بالاترین سطح شوری ژنوتیپهای G4، G7، G8، G10 (بیشترین میزان) و G12 به همراه شاهد متحمل G17 روند کاهشی معنی داری نشان دادند و ژنوتیپ G12 دارای کمترین میزان غلظت (۴۰/۲۵ میکرومول بر گرم) بوده است (شکل ۱).

مقایسه میانگین برهمکنش ژنوتیپ در شوری در زمان سه روز پس از تنش شوری، برای غلظت پرولین در شکل ۲ آمده است. غلظت پرولین در شوری ۸ dS/m در ژنوتیپهای G9، G10 و G11 افزایش قابل قبولی داشتند بطوریکه ژنوتیپ G11 دارای بیشترین مقدار پرولین به میزان ۳/۳ میکرومول بر گرم بوده و در همین سطح شوری ژنوتیپ G8 کمترین مقدار (۰/۵۷ میکرومول بر گرم) را نشان داد.

برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای درصد نشت الکترولیتها در زمان سه روز پس از تنش شوری (شکل ۳) نشان می دهد، در شرایط ابتدایی تنش درصد نشت الکترولیتها کاهش و در سطح ۸ dS/m افزایش نشان داد. کمترین درصد نشت لکترولیت در ۴ dS/m مربوط به ژنوتیپ G8 به میزان ۴۶/۵۷ درصد و بیشترین خسارت به سلول مربوط به ژنوتیپ G9 (۸۶/۳۵ درصد) در سطح ۸ dS/m می باشد.

موتانت مورد مطالعه به همراه ارقام شاهد حساس و متحمل در مرحله گیاهیچه ای برداشت و استخراج DNA به روش CTAB (Doyle J, 1987) انجام شد. محاسبه غلظت DNA با استفاده از میزان جذب UV با دستگاه اسپکتروفتومتری (Beckman coulter, USA, DU@530) در طول موج ۲۶۰ تا ۲۸۰ نانومتر محاسبه و کمیت و کیفیت DNA ژنومی با روش الکتروفورز ژل آگارز تعیین و تکثیر DNA با استفاده از دستگاه PCR (مدل Bio-Rad) انجام گردید. غلظت نهایی مخلوط واکنش برای آغازگر SSR (جهت یک واکنش ۱۲ μl) حاوی ۴/۴ μl آب دوبر تقطیر (ddH2O)، ۶ μl MasterMix، ۰/۶ μl SSR Primer و یک میکرولیتر DNA الگو بوده است. برای هر ترکیب آغازگر واکنش زنجیره ای پلی مراز شامل این مراحل بود: مرحله اول چهار دقیقه در دمای ۹۴ درجه سانتی گراد، مرحله دوم ۳۲ چرخه شامل یک دقیقه در ۹۴ درجه سانتی گراد، ۵۰ ثانیه در دمای ۵۷ درجه سانتی گراد و ۵۵ ثانیه در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد و در نهایت مرحله سوم با هفت دقیقه در دمای ۷۲ درجه سانتی گراد. در ادامه محصول PCR بر روی ژل آگارز ۲/۵ درصد با ولتاژ ۶۰ ولت الکتروفورز با محلول اتیدیوم بروماید در زیر نور ماوراء بنفش رنگ آمیزی و رویت گردید.

**بررسی های عملکردی:** جهت اندازه گیری صفت وزن کل دانه در هر بوته (گرم)، شاخص تحمل و میزان افت عملکرد، اعمال تنش شوری در اوایل مرحله زایشی گیاه به مدت ۲۰ روز (طبق روش مرحله رویشی) انجام گردید. تجزیه و تحلیل صفت وزن کل دانه در هر بوته بر اساس آزمایش فاکتوریل در قالب طرح بلوک های کامل تصادفی صورت گرفت. در ضمن نمونه های برگی در مراحل قبل طوری برداشت شدند که منجر به حذف بوته ها نگردد. شاخص تحمل به تنش (STI) جهت ارزیابی واکنش تحمل ژنوتیپها به تنش شوری از طریق رابطه ۵ محاسبه شد (Fernandez, 1992).

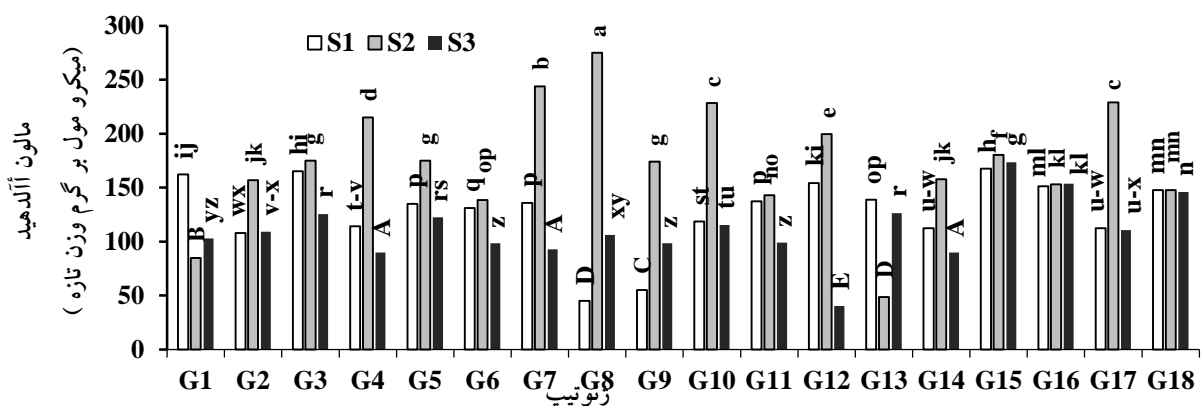
$$\text{رابطه ۵)} \quad STI = \frac{YP * YS}{(YP)^2}$$

جهت نرمال نمودن داده های مربوط به درصد نشت الکترولیتها از تبدیل واحد جذری، تجزیه و تحلیل داده های

جدول ۳- تجزیه واریانس صفات بیوشیمیایی لاین‌های موتانت برنج و شاهد‌ها تحت تنش شوری کلرید سدیم.

منابع تغییرات	درجه آزادی	پرولین	مالون‌دی‌آلدهید	درصد نشت الکترولیت
		میانگین مربعات (Mean Square)		
تکرار (R)	۲	۰/۶۵**	۶۴/۱۶**	۷۰/۵۹**
فاکتور A (زمان)	۲	۱/۰۳**	۸۹۱۲۳/۲۳**	۴۵۵/۴۸**
خطای آزمایشی (Ea)	۴	۰/۰۱	۴۲/۲۰	۰/۷۳
فاکتور B (شوری)	۲	۳۸/۷۳**	۸۰۹۶۷/۸۸**	۲۳۵۷/۸۵**
فاکتور C (ژنوتیپ)	۱۷	۲/۰۱**	۵۲۹۷/۳۶**	۱۶۸/۰۸**
زمان × شوری	۴	۰/۶۸**	۳۳۰۰۱/۹۱**	۴۷۵/۰۴**
زمان × ژنوتیپ	۳۴	۰/۶۳**	۳۵۳۸/۴۲**	۶۳/۰۷**
شوری × ژنوتیپ	۳۴	۰/۵۶**	۷۱۷۱/۷۱**	۱۷۰/۰۵**
زمان × شوری × ژنوتیپ	۶۸	۰/۴۶**	۴۳۶۵/۷۹**	۷۸/۶۵**
خطای آزمایشی (Ebc)	۳۱۸	۰/۰۰۱	۱۰/۳۹	۰/۵۵
ضریب تغییرات (%)		۳/۳۱	۲/۳۱	۰/۴۸

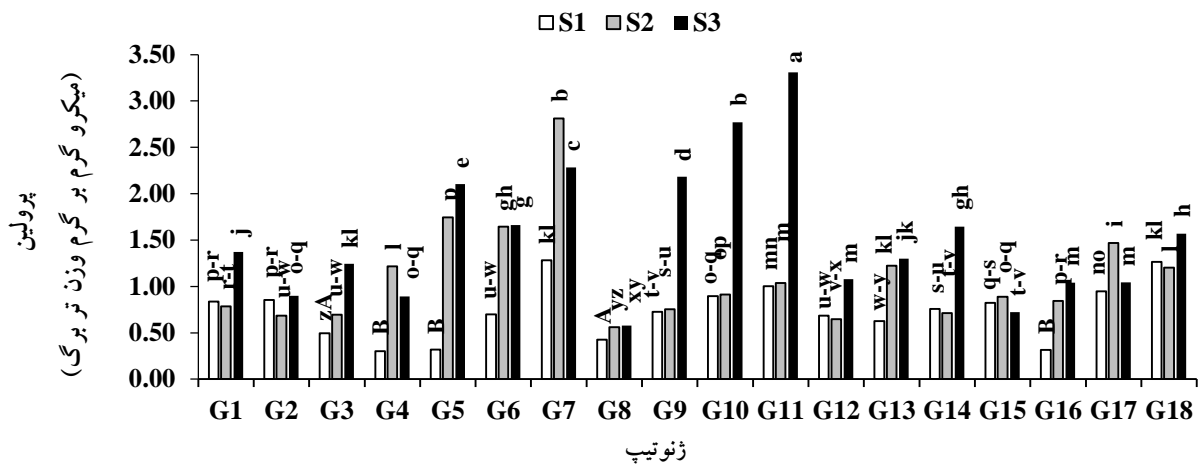
\*\* : معنی‌داری در سطح احتمال یک درصد



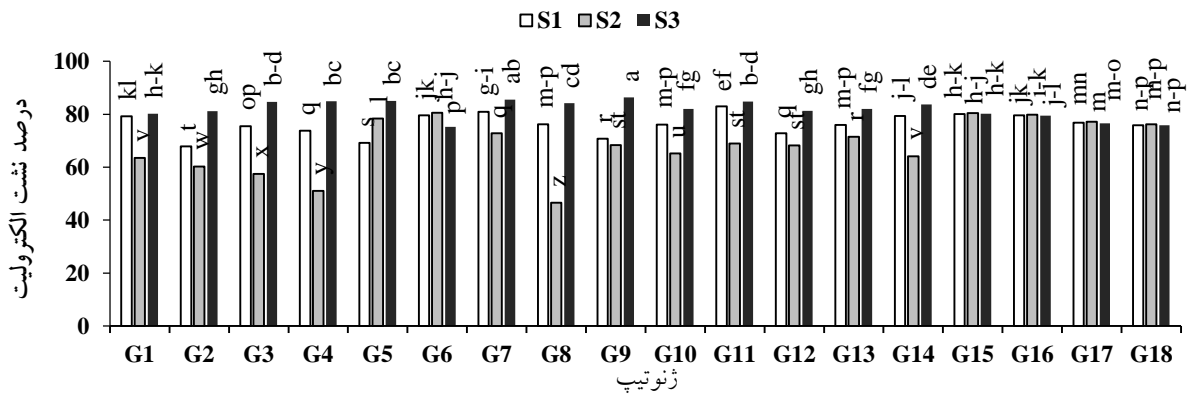
شکل ۱- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت مالون‌دی‌آلدهید (سه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال، S2: تنش شوری ۴ dS/m، S3: تنش شوری ۸ dS/m. میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۰.۰۵ معنی‌دار نمی‌باشند.

G18 افزایش نشان دادند. بیشترین غلظت پرولین در این سطح مربوط به ژنوتیپ G12 با میزان ۲/۶۶ میکرومول بر گرم بوده است. در این تحقیق غلظت پرولین در ژنوتیپ G8 نسبت به زمان ۳ روز پس از اعمال تنش، افزایش معنی‌داری نشان داد. موسوی‌زاده و همکاران (۱۳۹۷) با ارزیابی میزان پرولین سه رقم برنج تحت تنش شوری ۱۲ dS/m گزارش نمودند، میزان پرولین در ژنوتیپ سنگ‌طارم (به عنوان یک ژنوتیپ متحمل به شوری) در تمامی زمان‌های نمونه‌گیری نسبت به IR29

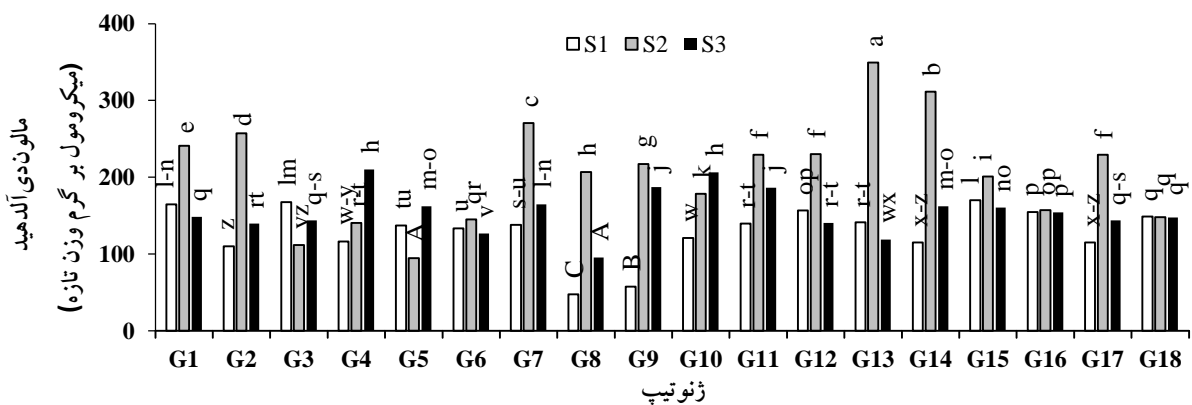
غلظت مالون‌دی‌آلدهید پس از شش روز اعمال تنش نشان می‌دهد که ژنوتیپ G13 دارای بیشترین میزان غلظت (۳۴۹/۵۵ میکرومول بر گرم) در سطح شوری ۴ dS/m بوده و ژنوتیپ G8 دارای کمترین میزان غلظت (۹۰/۶۲ میکرومول بر گرم) در شوری ۸ dS/m بوده است (شکل ۴). غلظت پرولین در شش روز پس از اعمال تنش شوری (شکل ۵)، در سطح ۸ dS/m در ژنوتیپ‌های G1، G5، G7، G11، G12، G14 و همچنین شاهد‌های متحمل G17 و



شکل ۲- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت پرولین (سه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال، S2: تنش شوری ۴dS/m، S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.



شکل ۳ - برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای درصد نشت الکترولیت‌ها (سه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.

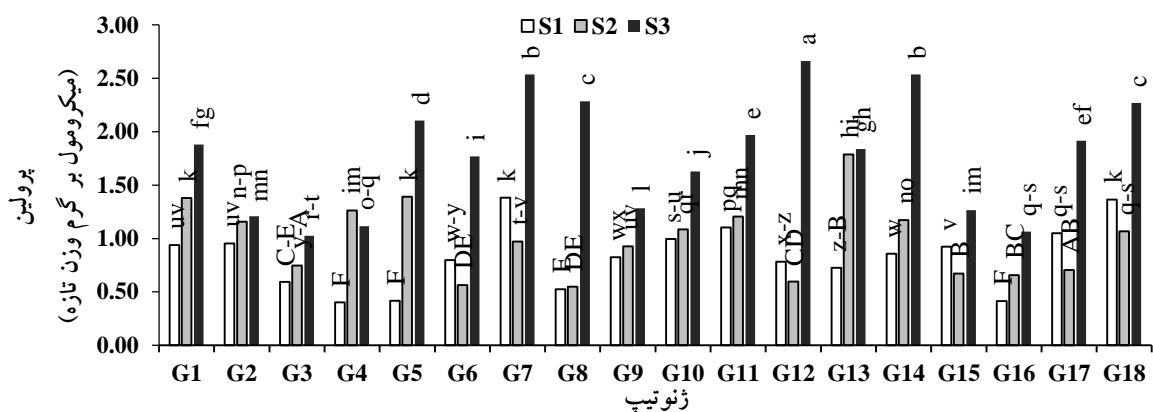


شکل ۴- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت مالون‌دی‌آلدئید (شش روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.

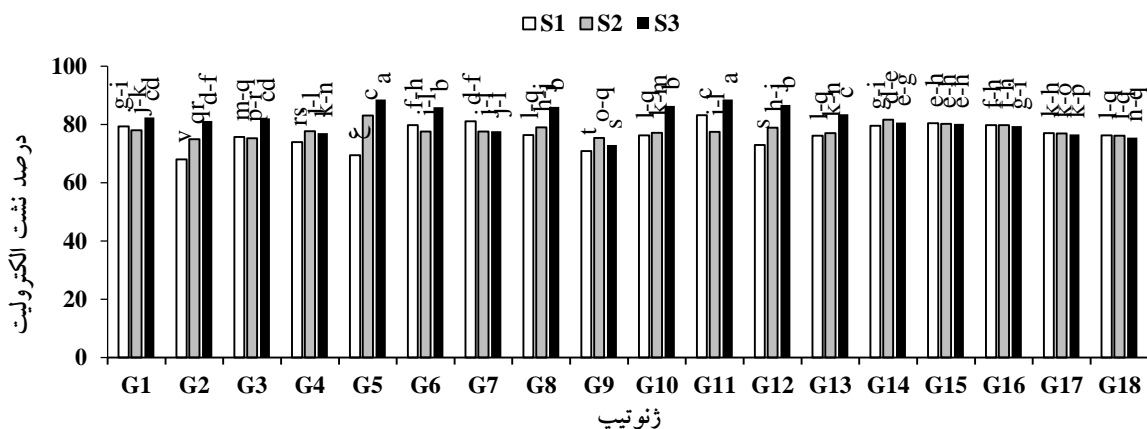
در شوری برای درصد نشت الکترولیت‌ها، نشان می‌دهد که دو ژنوتیپ G5 و G10 به ترتیب به میزان ۸۸/۵۶ و ۸۸/۴۹ درصد

(ژنوتیپ حساس به شوری) افزایش معنی‌داری نشان داد. در زمان شش روز پس از تنش شوری برهمکنش ژنوتیپ

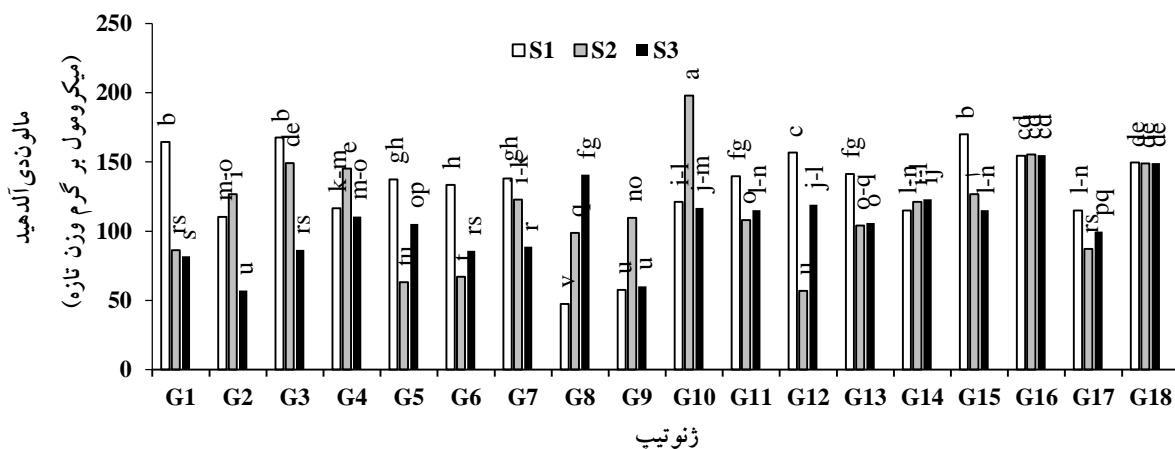




شکل ۵- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت پرولین (شش روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.



شکل ۶- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای درصد نشت الکترولیت‌ها (شش روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.



شکل ۷- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت مالون‌دی‌آلدئید (نه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.

بیشترین خسارت به سلول را داشتند (شکل ۶).

با افزایش زمان نمونه برداری پس از نه روز اعمال تنش شوری، بیشترین میزان غلظت مالون دی آلدئید مربوط به ژنوتیپ G10 (۱۹۷/۹۳ میکرومول بر گرم) در سطح شوری ۴ dS/m بوده و دو ژنوتیپ G2 و G9 دارای کمترین میزان غلظت به ترتیب با ۵۷/۱۳ و ۶۰/۲۳ میکرومول بر گرم در شوری ۸ dS/m بودند (شکل ۷). در بین ارقام شاهد، با افزایش زمان نمونه برداری میزان غلظت MDA در ژنوتیپ متحمل G17 کمتر شده است. یافته‌های این پژوهش حاکی از آن است که غلظت MDA در تنش شوری ۴ dS/m در اکثر ژنوتیپ‌ها افزایش و با بالا رفتن سطح تنش در ۸ dS/m کاهش می‌یابد.

زمان نمونه برداری نه روز پس از اعمال تنش شوری، افزایش غلظت پرولین در ژنوتیپ‌ها را در سطح شوری ۸ dS/m نشان می‌دهد. در این سطح بیشترین غلظت پرولین مربوط به شاهد نونابوکرا با میزان ۳/۰۳ میکرومول بر گرم بوده است. همچنین ژنوتیپ‌های G6، G8، G11 و G14 بعد از شاهد مذکور دارای غلظت پرولین بالایی بودند (شکل ۸). یافته‌های این تحقیق حاکی از آن است که با افزایش زمان نمونه برداری تا نه روز پس از تنش شوری و همچنین افزایش سطح شوری تا ۸ dS/m میزان غلظت پرولین در ارقام متحمل افزایش نشان می‌دهد.

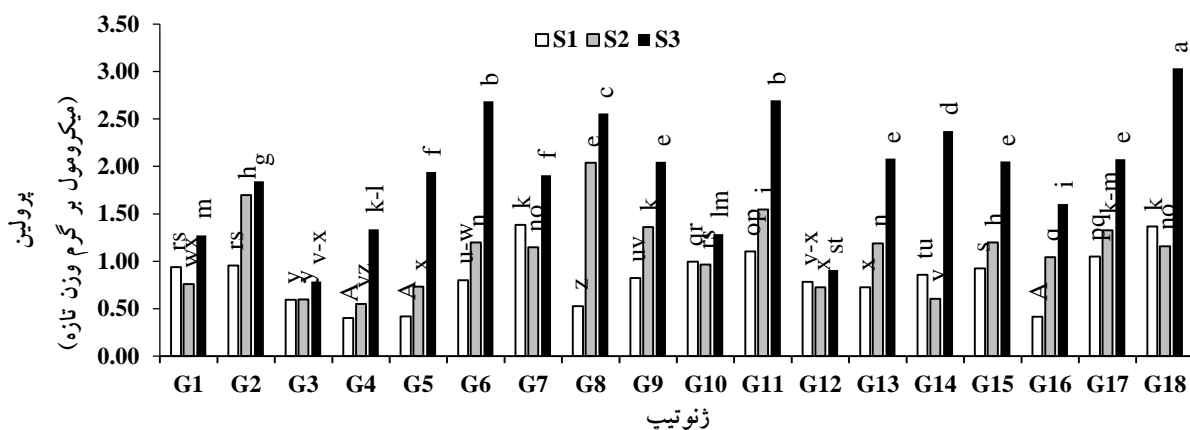
در زمان نه روز پس از تنش شوری، برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای درصد نشت الکترولیت‌ها در شکل ۹ نشان می‌دهد که ژنوتیپ G14 کمترین میزان خسارت به سلول را به میزان ۳۷/۴۱ درصد در سطح ۴ dS/m داشت و بیشترین میزان خسارت به سلول مربوط به دو ژنوتیپ G10 و G13 به ترتیب به میزان ۸۸/۳۸ و ۸۷/۹۷ درصد بوده است. Bhattacharjee و Mukherje (2002) در تحقیقی اظهار نمودند میزان تخریب غشای سلولی و تولید مالون دی آلدئید در ارقام حساس برنج به شوری بسیار بیشتر از ارقام متحمل به شوری بود.

در بررسی که توسط Summart و همکاران (۲۰۱۰) بر میزان پرولین در گیاه برنج انجام شد اظهار نمودند که با توجه به تجمع بالای پرولین به نظر می‌رسد که این اسید آمینه نقش حیاتی در سلول‌های گیاهی در طول تنش شوری ایفا می‌کند.

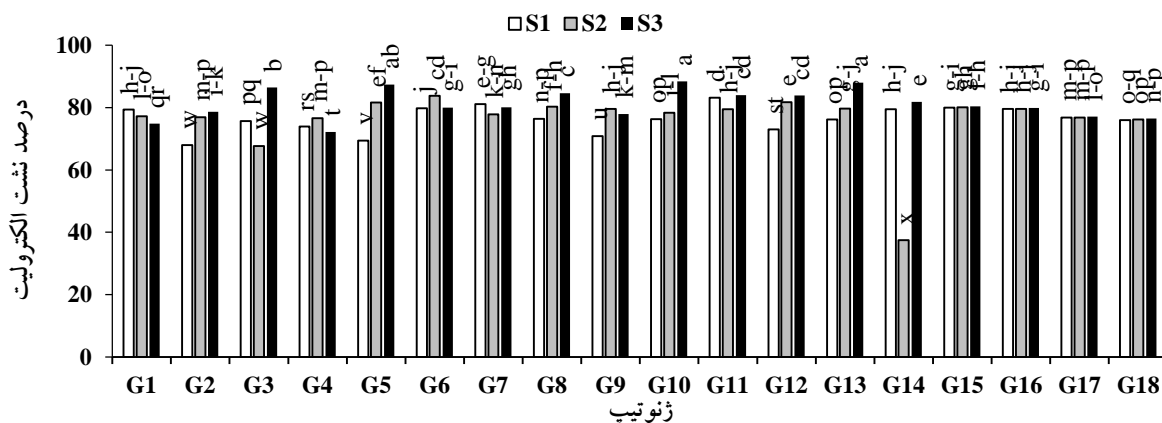
تأثیر تنش شوری روی پارامترهای فیزیولوژیکی در ۱۰۶ ژنوتیپ برنج نشان داد پرولین می‌تواند به‌عنوان یک شاخص مناسب جهت شناسایی ارقام حساس از متحمل به شوری به کار گرفته شود (Kanawapee et al., 2012). درصد نشت الکترولیت‌ها (تخریب غشاهای سلولی) با افزایش زمان نمونه برداری و بالا رفتن سطح شوری افزایش یافته که میزان خسارت در ژنوتیپ‌های متحمل کمتر می‌باشد. می‌توان بیان نمود افزایش نشت پذیری منجر به کاهش تورژسانس سلول‌ها، فرایندها، اختلال در فرایند آنزیم‌های دخیل در رشد گیاهچه شده که در نهایت منجر به کاهش رشد می‌گردد (Bandeoglu et al., 2004).

تجزیه کلاستر صفات بیوشیمیایی (شکل ۱۰) نشان می‌دهد که در زمان سه روز پس از تنش و شوری ۸ dS/m (شکل c) ژنوتیپ‌ها به پنج گروه تقسیم شدند که دو شاهد حساس G15 و G16 در گروه چهارم و ژنوتیپ G6 به همراه دو شاهد متحمل G17 و G18 در گروه پنجم قرار گرفتند. در زمان شش روز پس از تنش و شوری ۴ dS/m (شکل e) تجزیه کلاستر ژنوتیپ‌ها را به شش گروه تقسیم نمود که هفت ژنوتیپ (G1، G2، G4، G7، G9، G10 و G11) به همراه G17 و G18 در گروه چهارم قرار گرفتند. در همین زمان و شوری ۸ dS/m (شکل f) ژنوتیپ‌ها به پنج گروه تقسیم شدند که دو ژنوتیپ G7 و G14 به همراه دو شاهد G17 و G18 در یک گروه قرار گرفتند. در زمان نه روز پس از تنش و شوری ۸ dS/m ژنوتیپ‌ها به پنج گروه تقسیم و ژنوتیپ‌های G2، G6، G7 و G9 به همراه شاهد متحمل G17 در گروه پنجم قرار گرفتند.

**بررسی‌های مولکولی:** بر اساس الگوی بانندی سه آغازگر cgSSR مورد مطالعه در این تحقیق، شاهد حساس و متحمل انتخاب شدند. بر این اساس برای ژن *OsPEX11-1* دو شاهد نونابوکرا و سپیدرود، برای ژن *OsNac5* دو شاهد دیلمانی و سپیدرود و برای ژن *OsRacB(T)* دو شاهد نونابوکرا و IR29 انتخاب گردیدند. پروفایل ژل آگارز مربوط به آغازگرهای مرتبط به تنش شوری به همراه ارقام شاهد ارائه شده است (شکل ۱۱).



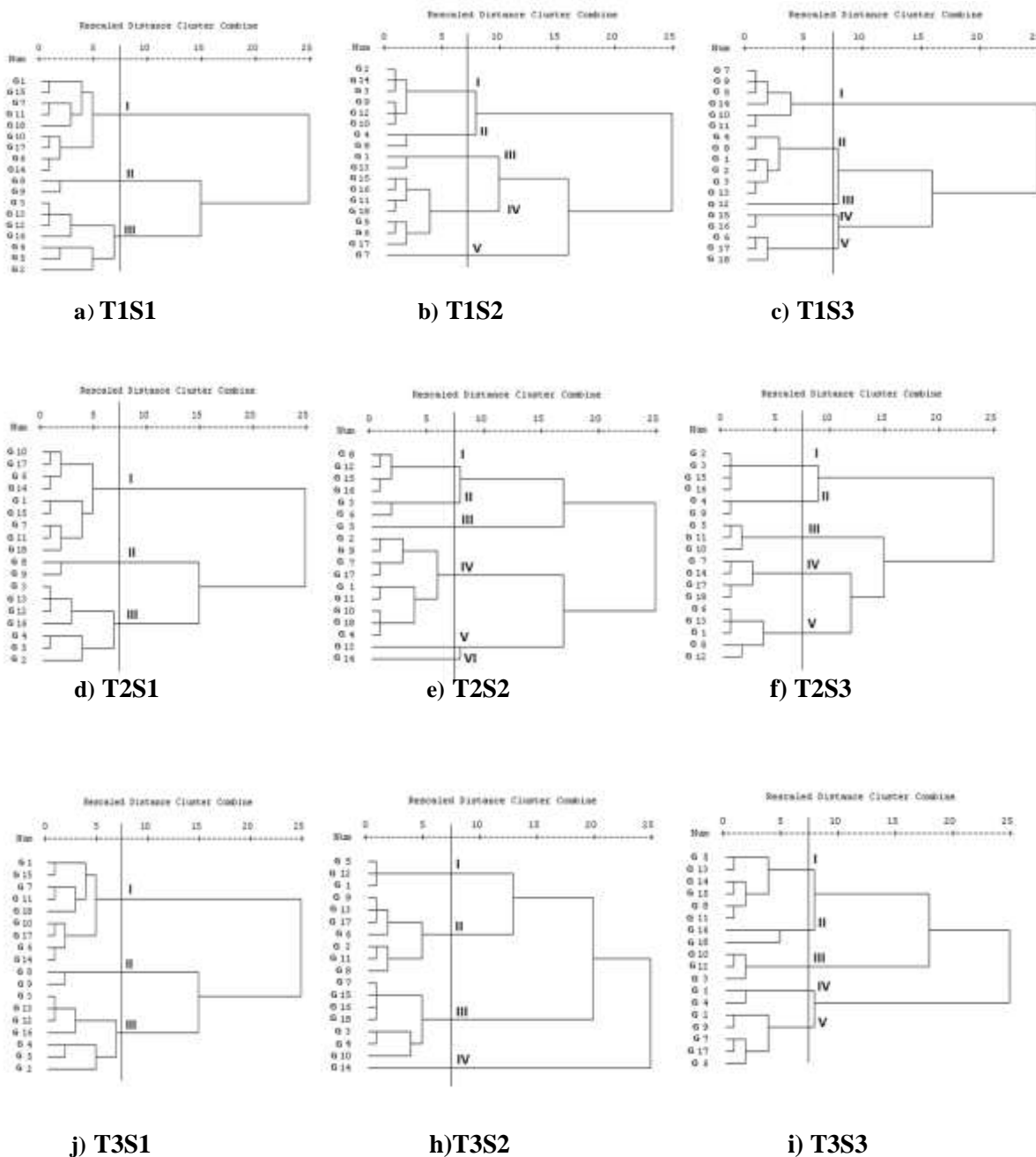
شکل ۸- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای غلظت پرولین (نه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.



شکل ۹- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای درصد نشت الکترولیت‌ها (نه روز پس از تنش). S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.

داد. الگوی بانندی ژن *OsPEX11-1* مربوط به ۱۴ لاین موتانت نسل نهم به همراه دو شاهد نونابوکرا و سپیدرود (شکل ۱۲) شاهد‌های متحمل و حساس را متمایز نموده بطوریکه شاهد نونابوکرا باند متحمل به وزن مولکولی ۲۷۶bp را نشان می‌دهد. در این تحقیق ژنوتیپ‌های G1, G2, G4, G8, G9 و G10 دارای باند متحمل و همردیف با شاهد متحمل نونابوکرا می‌باشد. در شکل ۱۳ الگوی بانندی ژن *OsNac5* مربوط به ۱۴ لاین موتانت نسل نهم به همراه دو شاهد دیلمانی و سپیدرود نشان می‌دهد این ژن توانسته شاهد‌های متحمل و حساس را کاملاً متمایز نماید در این پروفایل ژنی باند متحمل مربوط به شاهد دیلمانی با وزن مولکولی ۲۳۷bp می‌باشد. الگوی بانندی این ژن تنها دو ژنوتیپ G4 و G10 را همردیف با شاهد دیلمانی نشان دادند. بررسی مولکولی ژن *OsPEX11-1*، تعداد شش ژنوتیپ (G1, G2, G4, G8, G9 و G10) و ژن *OsRacB(T)*، تعداد هفت ژنوتیپ (G1, G4, G8, G9, G10 و G12 و G13) را همردیف با شاهد متحمل نونابوکرا و همچنین بررسی مولکولی

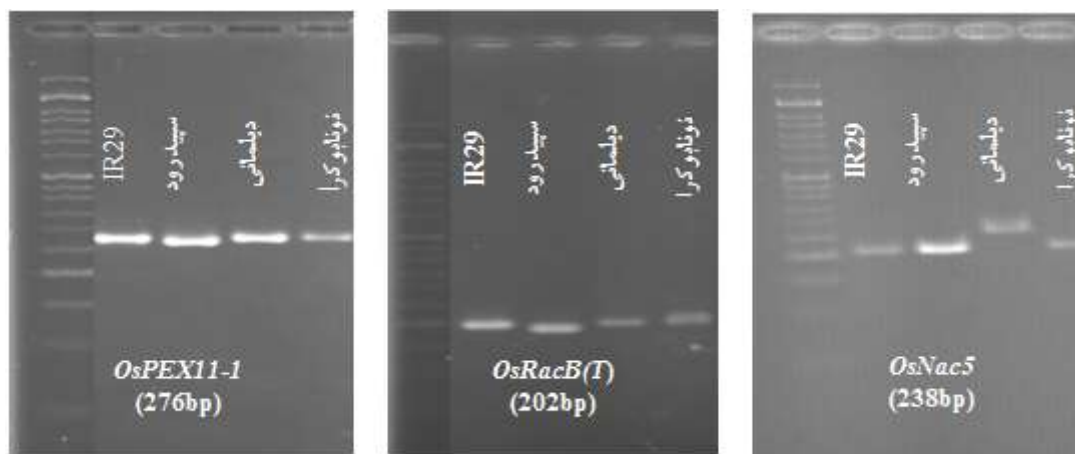
الگوی بانندی ژن *OsPEX11-1* مربوط به ۱۴ لاین موتانت نسل نهم به همراه دو شاهد نونابوکرا و سپیدرود (شکل ۱۲) شاهد‌های متحمل و حساس را متمایز نموده بطوریکه شاهد نونابوکرا باند متحمل به وزن مولکولی ۲۷۶bp را نشان می‌دهد. در این تحقیق ژنوتیپ‌های G1, G2, G4, G8, G9 و G10 دارای باند متحمل و همردیف با شاهد متحمل نونابوکرا می‌باشد. در شکل ۱۳ الگوی بانندی ژن *OsNac5* مربوط به ۱۴ لاین موتانت نسل نهم به همراه دو شاهد دیلمانی و سپیدرود نشان می‌دهد این ژن توانسته شاهد‌های متحمل و حساس را کاملاً متمایز نماید در این پروفایل ژنی باند متحمل مربوط به شاهد دیلمانی با وزن مولکولی ۲۳۷bp می‌باشد. الگوی بانندی این ژن تنها دو ژنوتیپ G4 و G10 را همردیف با شاهد دیلمانی نشان دادند.



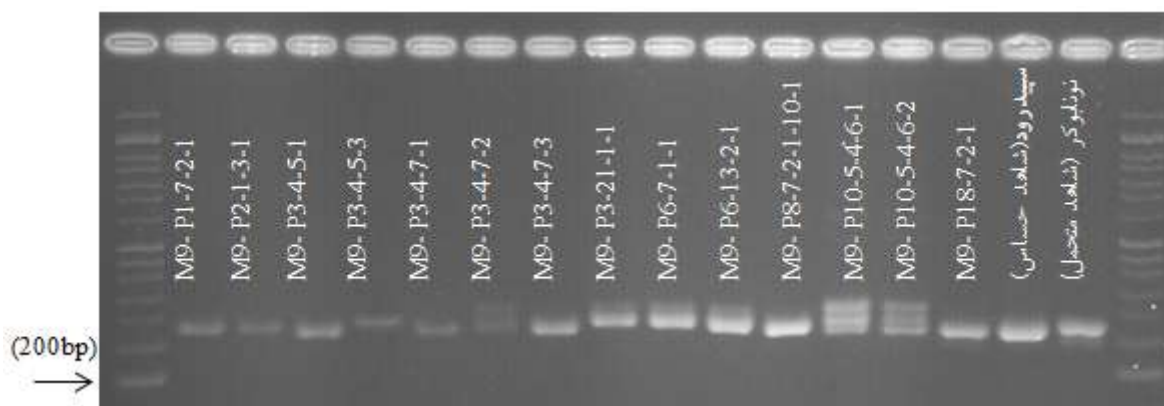
شکل ۱۰ - دندروگرام مربوط به صفات بیوشیمیایی مورد مطالعه در این تحقیق به روش وارد (Ward). S1، S2 و S3 به ترتیب شرایط بدون تنش، تنش  $\epsilon$ dS/m و  $\Delta$ dS/m و T1، T2 و T3 زمان سه روز، شش روز و نه روز پس از تنش شوری می‌باشد. (a) زمان سه روز پس از تنش و شرایط بدون تنش (b) زمان سه روز پس از تنش و شوری  $\epsilon$ dS/m (c) زمان سه روز پس از تنش و شوری  $\Delta$ dS/m (d) زمان شش روز پس از تنش و شرایط بدون تنش (e) زمان شش روز پس از تنش و شوری  $\epsilon$ dS/m (f) زمان شش روز پس از تنش و شوری  $\Delta$ dS/m (g) زمان سه روز پس از تنش و شرایط بدون تنش (h) زمان سه روز پس از تنش و شوری  $\epsilon$ dS/m (i) زمان سه روز پس از تنش و شوری  $\Delta$ dS/m (j) زمان نه روز پس از تنش و شرایط بدون تنش (k) زمان نه روز پس از تنش و شوری  $\epsilon$ dS/m (l) زمان نه روز پس از تنش و شوری  $\Delta$ dS/m.

و مولکولی به نظر می‌رسد یکی از ژن‌های دخیل در کاهش سطح پراکسیداسیون چربی (میزان MDA) و تجمع پرولین در

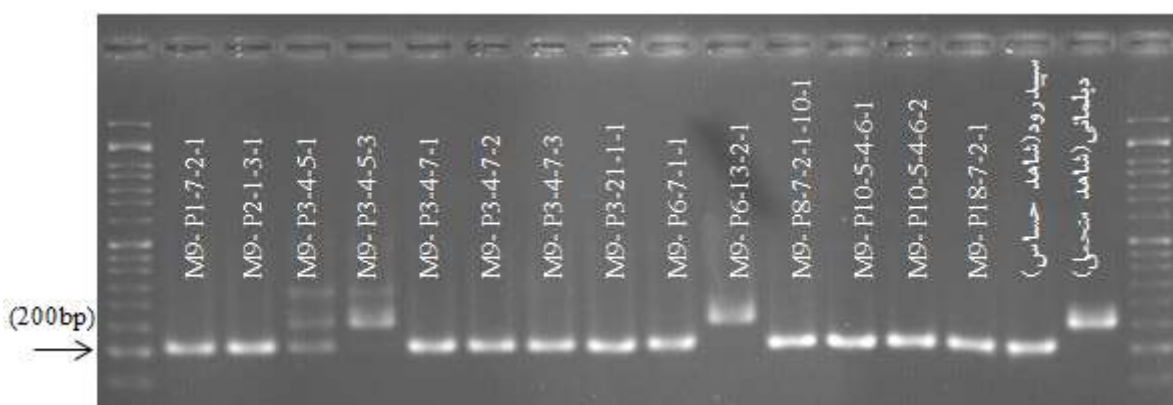
ژن *OsNac5*، تنها دو ژنوتیپ G4 و G10 را هم‌ردیف با شاهد متحمل دیلمانی نشان دادند. با توجه به نتایج بیوشیمیایی



شکل ۱۱- الگوی بانندی ژن‌های *OsPEX11-1*، *OsRacB(T)* و *OsNac5* مربوط به ارقام شاهد



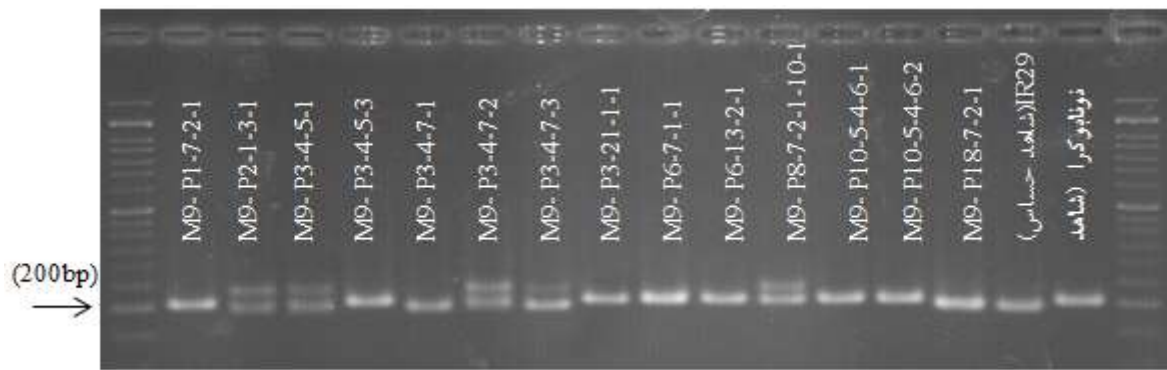
شکل ۱۲- الگوی بانندی ژن *OsPEX11-1* (276bp) مربوط به ۱۴ لاین موتانت به همراه ارقام شاهد



شکل ۱۳- الگوی بانندی ژن *OsNac5* (237bp) مربوط به ۱۴ لاین موتانت به همراه ارقام شاهد

افزایش بیان نشان می‌دهد و باعث تحمل گیاه به شوری می‌شود را می‌توان به عنوان یکی از ژن‌های موثر در تحمل به تنش شوری در نظر گرفت. **بررسی‌های عملکردی:** نتایج تجزیه واریانس صفت وزن

سلول در ژنوتیپ‌های موتانت مورد مطالعه، ژن *OsPEX11* باشد که می‌تواند در شناسایی ارقام برای بهبود تحمل به تنش شوری در گیاه برنج موثر باشد. همچنین ژن *OsRacB* که ابتدا در قسمت ریشه و سپس بلافاصله در قسمت ساقه و برگ



شکل ۱۴- الگوی بانندی ژن *OsRacB(T)* (202bp) مربوط به ۱۴ لاین موتانت به همراه ارقام شاهد

جدول ۴- مقایسه افت عملکرد ناشی از تنش و شاخص تحمل به تنش در ژنوتیپ‌ها

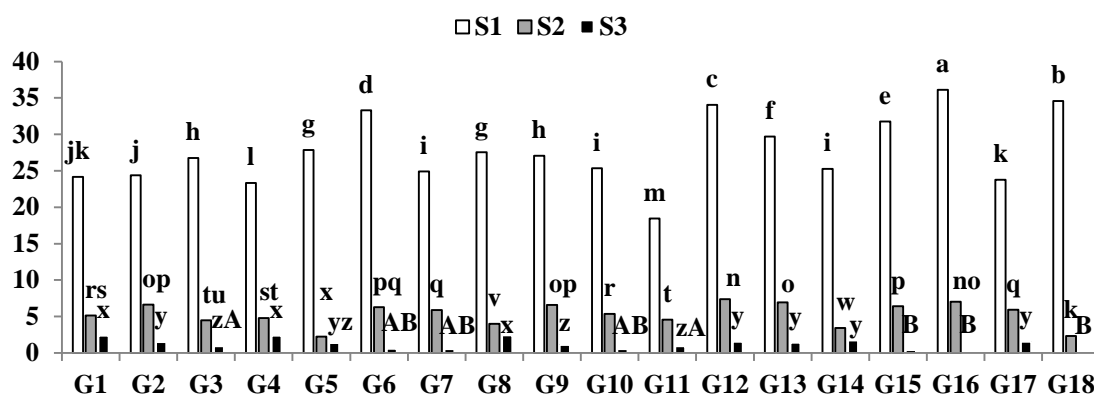
		ژنوتیپ شاخص شوری								
		G9	G8	G7	G6	G5	G4	G3	G2	G1
	افت عملکرد (g)	۲۰/۴۷	۲۲/۵۴	۱۹/۰۲	۲۷/۰۲	۲۴/۵۸	۱۸/۵۱	۲۲/۲۴	۱۷/۷۶	۱۹/۰۲
۴ dS/m	افت عملکرد (درصد)	۷۵/۶۵	۸۱/۸۷	۷۶/۳۲	۸۱/۱۷	۸۸/۲۹	۷۹/۴۱	۸۳/۱۷	۷۲/۸۲	۷۸/۶۹
	شاخص سطح تحمل	۰/۲۴	۰/۱۸	۰/۲۴	۰/۱۹	۰/۱۲	۰/۲۱	۰/۱۷	۰/۲۷	۰/۲۱
	افت عملکرد (g)	۲۵/۹۴	۲۵/۱۲	۲۴/۳۸	۳۲/۷۳	۲۶/۴۷	۲۰/۹۵	۲۵/۸۰	۲۲/۹۰	۲۱/۸۱
۸ dS/m	افت عملکرد (درصد)	۹۵/۸۶	۹۱/۲۵	۹۷/۸۳	۹۸/۳۲	۹۵/۰۸	۸۹/۸۸	۹۶/۴۸	۹۳/۸۹	۹۰/۲۴
	شاخص سطح تحمل	۰/۰۴	۰/۰۹	۰/۰۲	۰/۰۲	۰/۰۵	۰/۱	۰/۰۴	۰/۰۶	۰/۱

ادامه جدول ۴- مقایسه افت عملکرد ناشی از تنش و شاخص تحمل به تنش (STI) در ژنوتیپ‌ها

		ژنوتیپ شاخص شوری								
		G18	G17	G16	G15	G14	G13	G12	G11	G10
	افت عملکرد (g)	۱۵/۴۷	۱۹/۹۱	۲۵/۵۱	۱۲/۳۵	۲۱/۸۴	۲۲/۷۹	۲۶/۶۸	۱۳/۸۶	۱۹/۹۸
۴ dS/m	افت عملکرد (%)	۷۹/۰۱	۷۶/۹۹	۷۸/۴۰	۶۵/۸۰	۸۶/۴۶	۷۶/۶۸	۷۸/۳۶	۷۵/۱۶	۷۸/۸۵
	شاخص سطح تحمل	۰/۲۱	۰/۲۳	۰/۲۲	۰/۳۴	۰/۱۴	۰/۲۳	۰/۲۲	۰/۲۵	۰/۲۱
	افت عملکرد (g)	۱۸/۸۳	۲۴/۳۲	۳۲/۲۶	۱۸/۳۹	۲۳/۵۵	۲۸/۳۱	۳۲/۵۱	۱۷/۵۰	۲۴/۸۰
۸ dS/m	افت عملکرد (%)	۹۶/۱۷	۹۴/۰۴	۹۹/۱۴	۹۷/۹۸	۹۳/۲۳	۹۵/۲۶	۹۵/۴۸	۹۴/۹۰	۹۷/۸۷
	شاخص سطح تحمل	۰/۰۴	۰/۰۶	۰/۰۱	۰/۰۲	۰/۰۷	۰/۰۵	۰/۰۵	۰/۰۵	۰/۰۲

ارقام شاهد، G16 (سپیدرود) دارای وزن دانه در هر بوته بالاتری بوده اما با افزایش سطح شوری تا ۸dS/m حساسیت بالایی نشان داده و وزن دانه در هر بوته معادل ۰/۲۸ گرم داشت، در این سطح شوری G17 (شاهد دیلمانی) تحمل

کل دانه در هر بوته نشان داد، برهمکنش ژنوتیپ در شوری در سطح یک درصد معنی‌دار بوده است (نتایج نشان داده نشد). نتایج برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای وزن کل دانه در هر بوته (گرم) (شکل ۱۵) حاکیست در شرایط بدون تنش بین



شکل ۱۵- برهمکنش ژنوتیپ در شوری برای وزن کل دانه در هر بوته (گرم) S1: شرایط نرمال S2: تنش شوری ۴dS/m S3: تنش شوری ۸dS/m. \* میانگین‌هایی که دارای حداقل یک حرف مشترک هستند از نظر آزمون دانکن در سطح احتمال ۰.۵٪ معنی‌دار نمی‌باشند.

### نتیجه‌گیری کلی

در مجموع با شناخت برخی سازوکارهای بیوشیمیایی مؤثر در تنش شوری در سری زمانی متفاوت در این تحقیق (پرویلین، مالون‌دی‌آلدهید و درصد نشت الکترولیت‌ها) و تجزیه کلاستر و با تاکید بر ارزیابی مولکولی برخی ژن‌های مؤثر و وزن دانه در هر بوته (گرم)، شاخص تحمل به تنش (STI) و میزان افت عملکرد در سطوح مختلف شوری می‌توان پیش‌بینی نمود که ژنوتیپ‌های G1 از موتانت سنگ‌طارم، G2 از موتانت رشتی، G4 از موتانت هاشمی و G9 از موتانت چالوسی در اولویت اول و ژنوتیپ‌های G8 از موتانت هاشمی، G12 و G13 از موتانت نعمت در اولویت دوم به عنوان لاین‌های امیدبخش موتانت متحمل به تنش شوری بوده و پیشنهاد می‌شود از آنها در جهت افزایش بهره‌وری و بالابردن عملکرد در مزارعی که با شوری آب و خاک مواجه هستند استفاده نمود. نتایج حاکی از آن است که بیشتر ارقام بومی بخاطر ماهیت هتروژن بودن آنها نسبت به تنش شوری تحمل بیشتری نشان دادند همچنین به نظر می‌رسد با پرتودهی اشعه گاما و ایجاد تنوع در ارقام بومی و اصلاح شده می‌توان به منابع جدید شوری دست یافت.

### قدردانی

از پژوهشکده ژنتیک و زیست فناوری کشاورزی طبرستان، دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری به خاطر تامین

خوبی نشان داده و دارای وزن دانه در هر بوته ۱/۵۴ گرم بود. بیشترین وزن دانه در هر بوته در این سطح شوری مربوط به ژنوتیپ G8 (۲/۴۱ گرم) بوده است. به لحاظ وزن دانه در هر بوته ژنوتیپ‌های G1، G4 و G8 در یک سطح و ژنوتیپ‌های G2، G12، G13 و G14 به همراه G17 (شاهد متحمل دیلمانی) در سطح دوم قرار گرفتند. نتایج جدول ۴ حاکیست در سطح شوری ۸dS/m، ارقام شاهد متحمل نسبت به ارقام شاهد حساس شاخص تحمل بیشتری نشان دادند. بیشترین شاخص تحمل مربوط به دو ژنوتیپ G1 و G4 با شاخص تحمل ۰/۱ می‌باشد. در این بررسی ژنوتیپ‌های G1، G4، G8 و G14 شاخص تحمل بیشتری نسبت به شاهد متحمل دیلمانی G17 (معادل ۰/۰۶) نشان دادند. از نظر میزان افت عملکرد نیز در سطح ۸dS/m ژنوتیپ‌های G1 (۹۰/۲۴ درصد)، G4 (۸۹/۹ درصد) و G8 (۹۱/۲۵ درصد) نسبت به شاهد متحمل دیلمانی با ۹۴ درصد، افت کمتری نشان دادند.

برنج گیاهی نیمه حساس به شوری است. آستانه تحمل برنج نسبت به تنش شوری ۳ ds/m می‌باشد و به ازای افزایش یک واحد EC از آستانه تحمل، عملکرد به میزان ۱۲ درصد کاهش می‌یابد (سلحشور و همکاران، ۱۳۹۲). به نظر می‌رسد در ژنوتیپ‌های مذکور، افزایش غلظت پرویلین و کاهش MDA در زمان‌های بالاتر، باعث زنده‌مانی و در نهایت افزایش وزن دانه در هر بوته می‌گردد.

مالی، همچنین از کارشناسان بخش فنی - تحقیقاتی برنج پژوهشگاه تشکر می‌شود.

## منابع

- احمدی خواه، ا.، شجاعیان، ه.، پهلوانی، م. ه. و نیری‌پسند، ل. (۱۳۹۳) شناسایی لاینهای موتانت متحمل به شوری در برنج و انگشت نگاری آنها با نشانگر ISSR. ژنتیک نوین ۹: ۳۱۲ - ۲۹۹.
- اولادی، م.، نعمت‌زاده، ق.، رحیمی، م.، افخمی قادی، ع.، قلی‌زاده، ع.، مظفری، ک. و ضیایی. ا. (۱۳۹۴) بررسی تأثیر پرتودهی اشعه گاما در ایجاد تنوع در برخی ارقام محلی و اصلاح شده برنج. مجله علوم و فنون هسته‌ای: ۸۷-۸۰.
- حق جو، م.، روستایی، م. ج.، بامداد، ز. و جهانگیری، ب. (۱۳۸۶) اثر تنش خشکی روی ۹ ژنوتیپ گندم در مرحله جوانه زنی در استان فارس. اولین کنفرانس تکنولوژی و علوم بذر. ایران. گرگان.
- رنجبر، غ. و بناکار، م. ح. (۱۳۸۶) تاثیر تاریخ کاشت و تنش شوری بر عملکرد دانه و عقیمی سنبله گندم، رقم بم. تنشهای محیطی در علوم زراعی.
- سلحشور دلیوند، ف.، صدرالدینی، ع. ا.، ناظمی، ا. ح.، دواتگر، ن. و نیشابوری، م. ر. (۱۳۹۲) شبیه‌سازی اثر هم‌زمان تنش‌های شوری و خشکی بر عملکرد دانه برنج رقم هاشمی. علوم زراعی ایران ۱۵: ۳۲۰-۳۳۶.
- شکریور، م. و اسفندیاری، ع. ا. (۱۳۹۳) گروه بندی ارقام مختلف گندم از نظر تحمل شوری بر اساس برخی شاخص های بیوشیمیایی و فیزیولوژیک. اصلاح گیاهان زراعی ۶: ۵۴ - ۶۶.
- صادقی آهنگری، م.، باقری، ن. و بابائیان جلودار، ن. (۱۳۹۷) ارزیابی واکنش لاین‌های موتانت برنج طارم محلی (M6) به تنش شوری در مرحله جوانه‌زنی. پژوهشنامه اصلاح گیاهان زراعی ۱۰: ۱-۶.
- صبوری، ح. ع.، رضایی. و ع. مومنی. (۱۳۸۷) ارزیابی تحمل به شوری در ارقام بومی و اصلاح شده برنج ایرانی. علوم آب و خاک (علوم و فنون کشاورزی و منابع طبیعی ۱۲: ۶۳-۴۷.
- قدیرنژاد شیاده، ر.، اسماعیلی، م. ع.، پیردشتی، ه. ا. و نعمت‌زاده، ق. (۱۳۹۹) ارزیابی فیزیولوژیکی و بیوشیمیایی نسل ششم لاینهای موتانت برنج (*Oryza sativa L*) تحت تنش شوری. مجله فرایند و کارکرد گیاهی ۹: ۷۲-۵۷.
- موسوی‌زاده، ز. س.، نجفی زرینی، ح.، هاشمی پطرودی، س. ح. ر. و کاظمی تبار، س. ک. (۱۳۹۷) ارزیابی میزان پرولین، کلروفیل و مالون‌آلدئید در ارقام حساس و متحمل برنج تحت تنش کلرید سدیم. پژوهشنامه اصلاح گیاهان زراعی ۲۵: ۲۵-۲۸.
- میردادرمنصوری، ش. ن.، بابائیان جلودار. و ن. باقری. (۱۳۹۱) تأثیر تنش NaCl بر رشد زایشی برنج ایرانی بر اساس شاخصهای تحمل و انتخاب به کمک روش بای پلات. مجله پژوهشهای تولید گیاهی ۱۹: ۸۴-۶۷.
- نوراللهی، ج. (۱۳۹۷) غربالگری لاین‌های موتانت M7 برنج با غلظت‌های مختلف شوری با استفاده از نشانگرهای مورفولوژیک و مولکولی (SSR) و مقایسه عملکرد لاینهای برتر. پایان نامه کارشناسی ارشد. دانشگاه علوم کشاورزی و منابع طبیعی ساری.
- Ashraf, M. (2009) Biotechnological approach of improving plant salt tolerance using antioxidants as markers. *Biotechnology Advances*, 27: 84-93
- Bandeoglu, E. Eyidogan, F. Yücel, M. and Oktem, H. A. (2004) Antioxidant responses of shoots and roots of lentil to NaCl-salinity stress. *Plant Growth Regulation* 42: 69-77.
- Bates, L. S. Waldren, R. P. and Teare, I. D. (1973) Rapid determination of Free Proline for water- Stress studies. *Plant and Soil* 39: 205-207.
- Bhattacharjee, S. and Mukherjee, A. K. (2002) Salt stress induced cytosolute accumulation, antioxidant response and membrane deterioration in three rice cultivars during early germination. *Seed Science and Technology* 30: 279-287.
- Cui P, Liu H, Islam F, Li L, Farooq MA, Ruan S and Zhou W (2016) *OsPEX11*, a Peroxisomal Biogenesis Factor 11, Contributes to Salt Stress Tolerance in *Oryza sativa*. *Frontiers in Plant Science* 7:1357
- Doyle J, (1987) A rapid procedure for DNA purification from small quantities of fresh leaf tissue. *Phytochem Bull* 19:11-15.
- Farooq, Sh. and Farooqe, A. (2006) The use of cell membrane stability (CMS) technique to screen for salt tolerant wheat varieties. *J. Plant Physiol* 163: 629-637.



- Fernandez GCJ. (1992) Effective selection criteria for assessing stress tolerance. In: Proceedings of the International Symposium on Adaptation of Vegetables and Other Food Crops in Temperature and Water Stress (ed. Kuo G.), Tainan, Taiwan.
- Heath, R. L., & Packer, L. (1968) Photoperoxidation in isolated chloroplasts: I. Kinetics and stoichiometry of fatty acid peroxidation. *Archives of Biochemistry and Biophysics* 125: 189-198.
- Kanawapee, N. Sanitchon, J. Lontom, W. and Threerakulpisut, P. (2012) Evaluation of salt tolerance at the seedling stage in rice genotypes by growth performance, ion accumulation, proline and chlorophyll content. *Plant and Soil* 358: 235-249.
- Kawaura K, Mochida K, Ogihara Y (2008) Genome-wide analysis for identification of salt-responsive genes in common wheat. *Functional & Integrative Genomics* 8: 277-86
- Kazemi Sh, eshghizade H R and Zahedi M (2016) Agromorphological response of local and modified Iranian rice genotypes to salinity of nutrient solution. *Journal of Science and Technology of Greenhouse Culture* 7: 163-153.
- KhoshKholghSima, N.A., Askari, H., Hadavand, H., Mirzaei, H., Pessarakli, M., (2009) Genotype-dependent differential responses of three forage species to Ca supplement in saline conditions. *Journal Plant Nutrition* 32.: 579-597.
- Kumae, S.G., Reddy, A.M., and Sudhakar, C. (2003) NaCl effects on proline metabolism in two high yielding genotypes of mulberry (*Morus Alba L.*) white contrasting salt tolerance. *Plant Science* 165: 1245-1251.
- Kutubuddin AM, Ananda BD, Showkat AG Tapan Kumar M (2015) Identification and analysis of novel salt responsive candidate gene based SSRs (cgSSRs) from rice (*Oryza sativa L.*). *BMC Plant Biology*. DOI 10.1186/s12870-015-0498-1
- Luo M., Su-Hai, G.U., Shu-Hui, Z., Fang, Z. and Nai-Hu, W.U. (2006) Rice GTPase OsRacB: Potential Accessory Factor in Plant Salt-stress Signaling. *Acta Biochimica Et Biophysica Sinica* 38: 393-402.
- Mekawy A. M. M., Assaha D.V.M., Yahagi, H., Tada, Y., Ueda, A. and Saneoka, H. (2015) Growth, physiological adaptation, and gene expression analysis of two Egyptian rice cultivars under salt stress. *Plant Physiology and Biochemistry* 87. 17-25.
- Moradi, F. 2002. Physiological characterization of rice cultivars for salinity tolerance during vegetative and reproductive stages. Los Baños, Laguna, Philippines, 190.
- Munns, R., James, R. A. and Läuchli, A. (2006) Approaches to increasing the salt tolerance of wheat and other cereals. *Journal of Experimental Botany* 57: 1025-1043.
- Nabiollahi, K., Taghizadeh-Mehrjardi, R., Kerry, R. and Moradian, S (2017) Assessment of soil quality indices for salt-affected agricultural land in Kurdistan Province, Iran. *Ecological Indicators* 83: 482-494.
- Okamura, M., Umemoto, N. and Onishi, N. (2012) Breeding glittering carnations by an efficient mutagenesis system. *Plant Biotechnology* 29: 209-214.
- Pardo, J. M. (2010) Biotechnology of water and salinity stress tolerance. *Current Opinion Biotechnology* 21: 185-196.
- Parida, A.K. and Das, A.B. (2004) Salt tolerance and salinity effects on plants: a Review. *Ecotoxicology and Environmental Safety* 60: 324-349
- Pessarakli, M., and PolShekanePahlavan-Rad, M. R. (2009) Response of wheat plants to zinc, iron, and manganese applications, and uptake and concentration of Zn, Fe, and Mn in wheat grains. *Commun. Soil Science Plant* 7-8: 1322-1332.
- Pirasteh-Anosheh, H., Emam, Y and Sepaskhah, A. R. 2015. Improving barley performance by proper foliar applied salicylic-acid under saline conditions. *International Journal of Plant Production* 9: 467-486
- Summart, J., Thanonkeo, P., Panichajakul, S., Prathepha, P., & McManus, M. T. (2010) Effect of salt stress on growth, inorganic ion and proline accumulation in Thai aromatic rice, Khao Dawk Mali 105, callus culture. *African Journal of Biotechnology* 9: 22-34
- Surekha Rao, P. Mishra B., Gupta S. R. and Rathore A. (2008) Reproductive stage tolerance to salinity and alkalinity stresses in rice genotypes. *Plant Breeding* 127: 256-261.
- Takasaki H, Maruyama K, Kidokoro S (2010) The abiotic stress-responsive NAC-type transcription factor OsNAC5 regulates stress-inducible genes and stress tolerance in rice. *Molecular Genetics and Genomics* 284: 173-183.
- Wu, T. L, W. Kao, C. H. Hong, C. (2015) Gene knockout of *Glutathione reductase 3* results in increased sensitivity to salt stress in rice. *Plant Molecular Biology* 87: 555-564.

## Identification of rice mutants tolerant to salt stress via biochemical, quantitative and molecular evaluation

Morteza Oladi Ghadikolaie<sup>1</sup>, Ghorban Ali Nematzadeh Ghara<sup>1\*</sup>, Gholam Ali Ranjbar<sup>2</sup>,  
Seyyed Hamidreza Hashemi-petroudi<sup>3</sup>

<sup>1</sup>Department of Plant Breeding, Sari Agricultural Sciences and Natural Resources University, Genetic and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan, Iran.

<sup>2</sup>Department of Plant Breeding, Sari Agricultural Sciences and Natural Resources University, Iran.

<sup>3</sup>Department of Genetic Engineering and Biology, Genetic and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan, Sari Agricultural Sciences and Natural Resources University, Iran.

(Received: 27/10/2020, Accepted: 23/02/2021)

### Abstract

To identify mutant lines (M9) rice of saline tolerant, and evaluation of some effective biochemical traits (seedling phase) an experiment as a split factorial based on a randomized complete block design with three replications in the greenhouse of Genetics and Agricultural Biotechnology Institute of Tabarestan (GABIT), was done in 2019. The main factor included sampling time (3, 6 and 9 days after stress) and sub-factors included salinity stress in three levels of NaCl (0, 4 dS/m and 8 dS/m (Adding salt to the water and paddy soil and then saturated salt extraction)) and genotypes (14 mutants (M9), 2 susceptible controls of Sepidrood, IR29 and 2 controls tolerant of Dailamani, Nonabokra). Also, identification of some genes effective in salinity stress was performed using three cgSSR microsatellite primers and then, the total grain weight per plant and STI index were evaluated as factorial. Analysis of variance showed that the main and the interaction effects were significant for all traits at 1% probability level. At the time of sampling (9 days after stress) and salinity of 8dS/m, proline concentration in tolerant genotypes increased whereas malondialdehyde content decreased. In nine days after stress and salinity 8 dS/m, cluster analysis divided the genotypes into five groups and four genotypes along with the tolerant G17 were in the fifth group. Molecular analysis of the band pattern of *OsPEX11-1*, *OsNac5* and *OsRacB* (*T*) primers showed 6, 2 and 7 genotypes, respectively, in the same order as the tolerant genotypes. Four genotypes at salinity 8dS/m had higher total grain weight per plant than Dailamani. Finally, considering the effective biochemical properties and cluster analysis results, and with emphasis on molecular and quantitative evaluation it can be suggested that G1 genotypes from Sang-Tarom mutant, G2 from Rashti mutant, G4 from Hashemi mutant and G9 from Chalousi mutant in the first priority and G8 genotypes from Hashemi mutant, G12 and G13 from mutant Nemat in the second priority can be used as promising saline-tolerant lines in farms facing salinity stress (soil and water).

**Keywords:** Biochemical, Salinity stress, Cluster analysis, Mutant and Molecular.

Corresponding author, Email: gh.nematzadeh@sanru.ac.ir